BEST AVAILABLE COPY

日本国特許庁 JAPAN PATENT OFFICE

19.3.2004

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出 願 年 月 日
Date of Application:

2003年 7月 4日

出 願 番 号 Application Number:

特願2003-270879

[ST. 10/C]:

[JP2003-270879]

出 願 人
Applicant(s):

独立行政法人 科学技術振興機構

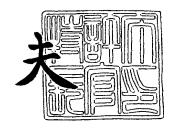
REC'D 1 3 MAY 2004
WIPO PCT

PRIORITY DOCUMENT

SUBMITTED OR TRANSMITTED IN COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)

特許庁長官 Commissioner, Japan Patent Office 2004年 4月23日





ページ:

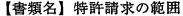
【書類名】 特許願 【整理番号】 PS03-1299 【あて先】 特許庁長官殿 【発明者】 【住所又は居所】 愛知県岡崎市竜美南2-4-1 竜美ヶ丘公務員社宅3-21 【氏名】 飯田 滋 【発明者】 【住所又は居所】 岡山県岡山市門田屋敷2-2-51-203 【氏名】 前川 雅彦 【発明者】 【住所又は居所】 愛知県岡崎市竜美旭11-3 タウニー山本A101 【氏名】 栂根 一夫 【特許出願人】 【識別番号】 396020800 【氏名又は名称】 科学技術振興事業団 【代理人】 【識別番号】 100087631 【弁理士】 【氏名又は名称】 滝田 清暉 【選任した代理人】 【識別番号】 100110249 【弁理士】 【氏名又は名称】 下田 昭 【手数料の表示】 【予納台帳番号】 011017 【納付金額】 21,000円 【提出物件の目録】 【物件名】 特許請求の範囲 1 【物件名】 明細書 1

【物件名】

【物件名】

図面 1

要約書 1



【請求項1】

- 以下の(1)又は(2)のいずれかのDNAから成るイネのトランスポゾン遺伝子。
- (1) 配列番号1で表される塩基配列から成るDNA
- (2) (1) の塩基配列と相同性が98%以上の塩基配列から成り、該DNAを有するイネを薬剤で処理することにより転移するDNA

【請求項2】

- 以下の(3)又は(4)のいずれかのDNAから成るイネのトランスポゾン遺伝子。
- (3) 配列番号6~8のいずれかで表される塩基配列から成るDNA
- (4) (3) の塩基配列と相同性が 9.8%以上の塩基配列から成り、該 D.N.A.を有するイネを薬剤で処理することにより転移する D.N.A.

【請求項3】

前記薬剤が5-アザシチジンである請求項1又は2に記載のトランスポゾン遺伝子。

【請求項4】

請求項1~3のいずれか一項に記載のトランスポゾン遺伝子を含有するプラスミド。

【請求項5】

請求項1~3のいずれか一項に記載のトランスポゾン遺伝子が導入された形質転換体。

【請求項6】

宿主が植物である請求項5に記載の形質転換体。

【請求項7】

宿主がシロイヌナズナ、タバコ、トマト、ペチュニア、アブラナ、ワタ又はトウモロコシ である請求項6に記載の形質転換体。

【請求項8】

請求項5~7のいずれか一項に記載の形質転換体を薬剤で処理することにより請求項1又は2に記載のトランスポゾン遺伝子を転移させる方法。

【請求項9】

前記薬剤が5-アザシチジンである請求項7に記載の方法。

【請求項10】

請求項8又は9に記載の方法により、前記トランスポゾン遺伝子が転移して形質転換した 植物又はその種。



【発明の名称】新規なイネのトランスポゾン遺伝子

【技術分野】

[0001]

この発明は、イネのトランスポゾン遺伝子に関し、より詳細には、イネのAc/Ds型トランスポゾン遺伝子及びその自律性因子に関する。

【背景技術】

[0002]

トランスポゾンは、転移の様式によりRNA中間体を介して転移するクラスI因子と、DNA 分子のままで切り出され転移するクラスII因子に大別される。イネではクラスI因子であるTos17 を用いた大規模な遺伝子タギングシステムが展開されているが、Tos17の転移にはカルス培養を経由するため高頻度で体細胞変異が同時に出ることが知られている(非特許文献1)。一方、クラスII因子としては、MITE型のmPingが報告されている(非特許文献2)。

[0003]

【非特許文献 1】 Trend. Plant Sci. 6: 127-134 (2001)

【非特許文献 2】 Nature, vol. 421, No. 6919, pp. 167-170(Jan. 2003)

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

[0004]

しかし、mPingの転移には体細胞変異や高頻度の突然変異の誘発が引き起こされる葯培養や γ 線照射が必要とされる(非特許文献 2)。更にこれらトランスポゾンの標的配列の特異性などから、一部の変異しか得られないと考えられており、それ故、新たなタギングシステムが求められている。

【課題を解決するための手段】

 $\{0005\}$

本発明者らは、易変性で葉緑素の蓄積が低下するpyl (pale-yellow leaf)変異の原因遺伝子を同定し、この変異にAc/Ds型に分類される新規トランスポゾンが関与することを見いだした。この結果は、イネにおいて通常の栽培条件下で初めて転移活性をもつAc/Ds型トランスポゾンnDart (nonautonomous Ds-related active rice transposon) を確認したものである。更に、このAc/Ds型トランスポゾンを解析することにより、その自律性因子Dartを見出した。

[0006]

即ち、発明は、以下の(1)又は(2)のいずれかのDNAから成るイネのトランスポゾン遺伝子(nDart)である。

- (1) 配列番号1で表される塩基配列から成るDNA
- (2) (1) の塩基配列と相同性が98%以上の塩基配列から成り、該DNAを有するイネを薬剤で処理することにより転移するDNA

更に、本発明は、以下の(3)又は(4)のいずれかのDNAから成るイネのトランスポゾン遺伝子(Dart)である。

- (3) 配列番号6~8のいずれかで表される塩基配列から成るDNA
- (4) (3) の塩基配列と相同性が98%以上の塩基配列から成り、該DNAを有するイネを薬剤で処理することにより転移するDNA

[0007]

トランスポゾンは細胞分裂が活発になる条件下の生育により、転移頻度が上昇することが知られている。そのため通常の生育条件で転移するnDart及びDartの転移頻度をさらに上昇させるためには、植物をストレス環境下で生育させることが有効である。このストレス環境とは、DNAの脱メチル化を引き起こす薬剤5-アザシチジン処理、紫外線・γ線などの各種放射線の照射、又は植物細胞を脱分化させたカルス培養等の人工培養系の利用などである。上記処理によりnDart及びDartの転移頻度を上昇させ、突然変異体の出現率を上



げることによって効率的に望む変異体を得ることが可能である。

[0008]

本発明は、また、上記に記載のいずれかのトランスポゾン遺伝子を含有するプラスミドである。ここで用いることのできるプラスミドとして、Tiプラスミド、pBI-121プラスミド等のバイナリーベクターが挙げられる。ここで用いることのできるプロモーターとしては、カリフラワーモザイクウィルスの 35Sプロモーター、熱ショックプロモーター、化学物質誘導性プロモーター等が挙げられる。またプロモータ及び上記遺伝子の結合方法に特に制限は無く、通常の遺伝子工学的手法に従って適宜行うことができる。

[0009]

また、本発明は、上記のいずれかのトランスポゾン遺伝子が導入された形質転換体である。この宿主は植物であることが好ましく、宿主としては、シロイヌナズナ、タバコ、トマト、ペチュニア、アブラナ、ワタ又はトウモロコシが好ましい。このような植物を形質転換するには、通常の遺伝子工学的手法を用いて、この遺伝子を上記プラスミドに挿入し、この植物を形質転換することができる。

更に、本発明は、上記のいずれかの方法により、前記トランスポゾン遺伝子が転移して 形質転換した植物又はその種である。この植物としてシロイヌナズナ、タバコ、トマト、 ペチュニア、アプラナ、ワタ又はトウモロコシが好ましい。

【発明を実施するための最良の形態】

[0010]

nDartと相同性の高いトランスポゾンの検索をBLAST (Basic Local Alignment Search Tool) で行った。検索を行ったデータベースサイトは、米国立バイオテクノロジー情報センター及び国立遺伝学研究所DNAデータバンクであり、nDart (配列番号 1) をQueryとした。また、遺伝子予測プログラムは、RiceGAASシステムを使用した(Yu. J, Hu. S, (2002) Science 296:79-92)。BLASTによる解析結果を表 1 に示す。31個のイネ塩基配列が相同性を示し、7つはnDartと98%以上の相同性を持っていた。

[0011]

本発明においてnDartの配列(配列番号1)が解明されたため、栽培品種改良に効率的な変異原として、交配により活性のあるDNAトランスポゾンを任意の系統に外来遺伝子を一切いれることなく持たせることができる。

nDartを転移させることによって、遺伝子が破壊された変異体を得ることができ、変異体の自殖後代よりnDartが再転移しフットプリントによって変異が完全に安定化した変異体や野生型と同じ表現型に戻った復帰突然変異体を分離できる。nDart配列中にプライマーを設計し、inverse PCR法等により転移したnDartの再挿入により破壊された遺伝子を特定することができる。また、このような変異体とその遺伝子との相関を解明することにより、その遺伝子の機能を知ることができる。この場合上記の方法により、転移したnDartにより破壊された遺伝子を特定することができる。

[0012]

また従来の形質転換法によって他の植物に導入して転移させることにより、遺伝子が破壊された変異体を得ることができる。このような変異体とその遺伝子との相関を解明することにより、その遺伝子の機能を知ることができる。この場合、上記の方法により、転移したトランスポゾンにより破壊された遺伝子を特定することができる。

$[0\ 0\ 1\ 3]$

本発明のnDart及びDart遺伝子の利用法として、これを変異原として利用し、イネや所望の植物等において、トランスポゾンでタグギングされた系統を作出することができる。特にイネにおいてタギング系統を作出する場合は、交配によって容易に任意のイネ系統にnDart及び活性なDart遺伝子を持たせることができる。このような系統は外来遺伝子を導入していないため、遺伝子組換え植物を育成する場合に必要な物理的封じ込め設備を全く必要とせずに、従来の栽培方法を用いて屋外の圃場でタギング系統を大規模に展開することができる。このようにして得られた突然変異体は、遺伝学的解析方法や逆遺伝学的解析方法により解析することができる。この遺伝学的方法とは、変異体の表現型からその原因



遺伝子を単離する方法であり、本トランスポゾンと変異体の表現型が連鎖していることを 指標として、このタグ(トランスポゾン)を利用して、容易に原因遺伝子の同定と単離を 行える。

また、逆遺伝学解析方法とは、遺伝子からその遺伝子の機能が失われた変異体を単離する方法である。多数の変異体よりDNAを抽出し、プールを作る。そのプールを対象にPCRで選抜を行うことにより、目的の遺伝子にトランスポゾンが挿入した変異体を釣り上げることができる。

[0014]

以下、実施例にて本発明を例証するが、本発明を限定することを意図するものではない

試験例1

易変性のpyl-v突然変異体は、日本型 H-126とインド型C-5052の交雑F2で生じた1個体の 斑入り葉緑素の蓄積が低下した変異体として、本発明者の一人である前川によって1986年に分離された(図1)。pyl-v系統は、淡黄色の葉の中に野生型のイネと同じ濃緑色のセクターが細胞系列に沿った状態で出現することと、遺伝学的解析から易変性の原因はDNA 型トランスポゾンの挿入と脱離によると予想された。

[0015]

試験例2

次に、試験例1で得たpyl-v変異体と日本型の"しおかり"又は"台中65号"との交配の繰り返しにより準同質系統を作出し、pyl表現型が一見安定となったpyl-stb (pale-yellow leaf-stable)を分離した。

pyl-stbは交配により再び易変性を示す系統を分離することと薬剤処理により易変性を示す系統となることから、自律性因子の分離・不活化によって一過的に安定となっている系統である。

土壌上で発芽したpyl-stb変異体実生は、第4葉に至らずに枯死する。

本試験例では、pyl-stb種子を寒天培地上で無菌的に第4葉まで培養し、そののち土に移植することによって高い確率でpyl-stbを結実に至らせた。改変White培地(Kusumi K., Mizutani A. et al. (1997). Plant J. 12: 1241-50)を用い、白色蛍光灯・連続光 $26\,\mu$ mo l m⁻² sec⁻¹、28 $\mathbb C$ の条件下でpyl-stbの種子を無菌的に播種し発芽させると第4葉以上に生育する。第4葉期まで生育させたpyl-stbは、土に移し替えることによって、高い確率でpyl-stbを結実させることができる。その様子を図2に示す。

【実施例1】

[0016]

本実施例では、このpyl-vの斑入を引き起こすDNA型トランスポゾン遺伝子とpyl変異の原因遺伝子を同定することを目的としてマップベースクローニングを行った。

マップベースクローニングの解析には、試験例1で得たpyl-v変異体を"しおかり"で 戻し交雑して育成した準同質遺伝子型系統とインド型イネの"カサラス"を交雑して養成 したF2集団を用いた。このF2の幼苗におけるpyl-v変異体21個体からDNAを抽出して、12染 色体を網羅する54個のランドマークSSRマーカー(Theor. Appl. Genet. 100:697-712(2000))を用いて、pylの簡易マッピングを行った。その結果、pyl遺伝子は第3染色体の短腕の RM282とRM251の間22cM内にあることが判明した。

そこで、この2個のマーカー間に存在する日本晴のESTクローン(Plant Cell 14, 525-3 5 (2002))を選抜した。これらのESTクローンの塩基配列を基に、これらのESTクローンを含むインド型93-11の一群の連結したゲノムDNA配列であるコンティグ(Science 296:79-92 (2002))を選抜した。同時に、アメリカのCSHLグループが発表した日本晴のBACクローンも選抜し、両者の塩基配列の比較から塩基配列に8bp以上の差のある部位を挟むようにして、PCR産物で判別できるようなマーカーを18個作成した。これらのマーカーを用いて、F2 11800個体の幼苗からpylの遺伝形質を示す個体のみを選抜して、3112個体について組み換え体を選抜した。その結果、約80.4kb内にpylの候補遺伝子を絞り込むことができた。これらの関係を図3に示す。



この領域には9個のORFが推定され、これらのすべてのORFについてゲノミックを増幅できるようにプライマーを設計し、"台中65号"、pyl-stb及び"カサラス"についてその増幅産物を調べた。

PCRの反応は 50μ lの系で行ない、2.5UのLA Taq、 $1\times$ GC buffer、 400μ M dATP、 400μ M dCTP、 400μ M dCTP、 400μ M dCTP、 400μ M dCTP(Takara社)、 0.2μ Mのプライマーセットに、100ngの "台中65号"、pyl-stb及び "カサラス"のゲノミックDNAを加え滅菌MilliQ水(ミリポア社)で液量を調整した。反応産物は、0.8% LOIIIアガロースゲル(Takara社)にて分画した。

その結果、プライマーClp-3F(配列番号2)とClp-4R(配列番号3)を用いてPCRを行なった場合に、pyl-stb と他の系統との間に約600bpの違いが存在していることが判明した。その電気泳動図を図4に示す。

このClp-3FとClp-4Rで増幅される遺伝子は、シロイヌナズナのClpP5遺伝子(非特許文献1)と80%の相同性のある遺伝子(OsClpP,配列番号 9)であり、葉緑体に輸送されるタンパク質分解酵素であると考えられる。

【実施例2】

[0018]

本実施例では、実施例1で増幅されたPCR産物の差を確認するために、増幅産物の塩基 配列を決定した。

実施例1のPCR産物をQIA quick PCR purification Kit (キアゲン社)を用いて精製し、シークエンサー (ABI PRISM377、Applied Biosystem社)にて塩基配列を決定し各種のソフトウェアを用いて塩基配列の解析を行った。その結果、607 bpの配列(配列番号1)がOsClpP遺伝子のエキソン1に挿入されていることが判明した。その様子を図5に示す。

この領域にはDNAトランスポゾンの挿入時におきる8bpの標的配列の重複 (TSD:Target Site Duplication) を引き起こしており、607 bpの両末端には 19bpの逆向きの繰り返し配列 (TIR:Terminal Inverted Repeat) が存在していた。

この挿入配列は、TSDが8bpであることとTIRのこれまで報告されているDNAトランスポゾンとの類似からAc/Ds型に分類された。既知のAc/Ds型トランスポゾンとこの挿入配列 (nD art) の比較を表 2 に示す。この挿入配列は、自律性因子を持たないDsに似た新規のトランスポゾン遺伝子である。

【実施例3】

[0019]

本実施例は、pyl変異体においてnDart(配列番号1)が挿入されたOsClpPタンパク質をコードしていると予想される遺伝子の転写開始点と遺伝子の全長を決定するために、mRNAのCAP構造を認識する5、RACE法と3、RACE法を行った。

RNAはグアニジンチオシアン塩酸を用いてpyl-stbから抽出し、total RNA 1μgからTHER MOSCRIPT (Invitrogen社)を用いてcDNAを作成した。このcDNA鋳型としてGeneRacer Kit (Invitrogen社)とOsClpP遺伝子の塩基配列から作成したプライマーPG8-813R(配列番号 4)とClp-3R (配列番号 5)で2度のPCRにより転写開始点を決定した。その結果を図 6に示す。

pyl-stbではタンパク質に翻訳される最初のアミノ酸となるメチオニンをコードする位置よりも下流に殆どの転写開始点があることが分かり、pyl変異の原因がOsClpP遺伝子にあると考えられた。

【実施例4】

[0020]

本実施例では、pyl-v変異体から現れた独立した15系統由来の49個体の復帰突然変異体においてnDartの脱離を調べるために、OsClpP遺伝子の第1エキソンから第7エキソンを含んだ領域を増幅するプライマーClp-3F(配列番号3)とClp-4R(配列番号4)を用いてPCRを行った。

PCRの反応は50μlの系で行ない、2.5 UのLA Taq、1×GC buffer、400μM dATP、400



μM dGTP、400μM dCTP、400μM dTTP(Takara社)、0.2μMのプライマーセットに、100n gの復帰突然変異体Genomic DNAを加え滅菌MilliQ水 (ミリポア社) で液量を調整した。反 応産物は、0.8% LOIIIアガロースゲル(Takara社)にて分画し、配列番号1のトランスポ ゾン遺伝子のサイズが欠損した時と同じサイズのPCR生産物が増幅されていることを確認 した。

【実施例 5】

[0021]

本実施例では、実施例4で増幅されたPCR産物が、OsClpPの第一イントロン領域からト ランスポゾン遺伝子(配列番号1)が転移した結果であることを確認するために、増幅産 物の塩基配列を決定した。

実施例4のPCR産物をQIA quick PCR purification Kit(キアゲン社)を用いて精製し 、シークエンサー(ABI PRISM377、Applied Biosystem社)にて塩基配列を決定し各種の ソフトウェアを用いて塩基配列の解析を行った。その結果を図7に示す。

復帰突然変異体では、2種類のフットプリントによる塩基配列の変化以外は0sClpP遺伝 子エキソン1領域に変化は認められなかった。また、フットプリントによる変化もOsClpP のmRNAからタンパク質への翻訳には影響を与えず野生型と同じCLPタンパク質が復帰突然 変異体では生産されていると考えられた。

【実施例6】

[0022]

本実施例では、試験例2で得たpyl-stb種子をアザシチジン処理によって、pyl-v変異体 とすることが出来ることを調べた。

pyl-stbの種子を0.15、0.3、0.45mMのアザシチジン水溶液に24時間、30℃で浸漬し、水 洗した後発芽させpyl-vの出現を確認した。その結果を表3に示す。アザシチジンの濃度 を高くすることによって、nDartの転移の頻度を増加させることができることがわかる。

【実施例7】

[0023]

本実施例は、nDartの転移を制御している自律性因子トランスポゼースの検索をBLAST(Basic Local Alignment Search Tool) で行った。

トランスポゼースを持っている配列は両端にnDartと同じ配列を持ち、その内部にトラ ンスポース遺伝子を持っていると予想されるので、nDart(配列番号1)の両端と同じ配 列を有しているものを検索した結果、3つの配列が見出された(配列番号6~8)。これ らを図8に示す。

配列番号6は、これらのうち末端配列の相同性が最も高かった。配列番号6の両端各々18 3bpは、配列番号1の両端と98%以上の相同性をもっており、その内部のORFは、トラン スポゼースを持っていることが遺伝子予測プログラムから示された。配列番号6は、キン ギョソウで報告されたTam3トランスポゼースと相同性の高い自律性因子遺伝子であると考 えられる。

配列番号6から予想される最もTam3と相同性が高い自律性遺伝子を検索した。Tam3のト ランスポゼースはイントロンを含まない構造であることが報告されており、上記31個の塩 基配列からイントロンを含まないトランスポゼースを検索し、配列番号7を同定した。遺 伝子予測プログラムによる解析から、配列番号7はイントロンを含まない構造を持ってお り、3末端にはDNA結合領域であるBED Zinc figer領域が存在していた。配列番号7は、nDa rtの転移を支配している自律性因子であると思われる。

配列番号7から予想されるトランスポゼースを指標にして、異なったスプライシングバ ターンを示す配列を検索し、配列番号8を同定した。図8に示すように配列番号8は、相同 性領域の1と3はもっているが相同性領域2はもっておらず、配列番号7とは異なった発 現パターンと機能が予想される。

[0024]



【表1】

4.000	Ş	TTP(hn)	5' TTR (5'->3')	3'TIR (5'->3')	Size	₽	Reference
בופשפוור	2	_	COL COLUMN				Müller-Neumann
AC	•	Ħ	CAGGGATGAAA	TTTCATCCCTA	4565	+	et al. (1984)
As5145	· ∞	=======================================	CAGGGATGAAA	TTTCATCCCTc	4565	-3800	Xiao and Peterson (2002)
Ds1/rVa	∞	#	CAGGGATGAAA	TTTCATCCCTA	401-406		Gerlach et al. (1987)
Ds(sh-m5933)	œ	11	TAGGGATGAAA	TTTCATCCCTA	2040	+	Doring et al. (1984)
Tam3	•	12	TAAAGATGTGAA	TTCACATCTTTA	3629	+	Henl et al. (1991)
							·
nDart 配列番号1	∞	19	TAGAGGTGGCCAAACGGGC	TAGAGGTGGCCAAACGGGC GCCCGTTTGGCCACCTCTA	209	+	

[0025]



表2 アザシチジン処理による	多数	性個体の出現				
	正常個体	易変性個体	易変性及び異常な表 現形を示した個体	dio	発芽率 (%)	易変性個体 (%)
未処理個体	89	0	0	83	68 .	0.0
azaC 0.15mM	39	43	17	66	66	9.09
azaC 0.3mM	28	37	. 27	95	92	9.69
azaC 0.45mM	25	34	36	95	92	73.7

【表2】

[0026]

G->A

nDart-d6

Ī	[表 3	}						1	1		i					
	箱を心の開構)	333 413	L ★						G->T		5位	520 524		G->A	G->A		
	部位 (5. 未	83 109 173 333 413	A->G C->T	G->A A->G	G->A A->G	A->6	A->6	A->G	A->G		nDartとの置換部位	516 518 520					
	nDartとの置換部位(5. 末端からの距離)	39 67 83	C->T	J		G->A		CGGCACGGCC-			nDar	441 496 501				A ‡	CACGG-
Similarity to	nDart		99.51%	99.51%	99.51%	99.51%	98.85%	98.02%	99.18%				nDart-d1	nDart-d2	nDart-d3	nDart-d4	nDart-d5
	TSD	þ	æ	œ	œ	ထ	œ	ω	œ		1		ļ				
3' TIR 保存	靯	GCCCGTTTGG CCACCTCTA	100%	=	=	=	=	=	=								
5' TIR 保	存性	TAGAGGTGGC GCCCGTTTGG CAAACGGGC CCACCTCTA	100%	=	=	=	=	=	=								
染色	#		က	က	က	4	က	-	Indica								
	塩基配列(bp)		209	209	209	809	601	297	209								
	nDart family		nDart-d1	nDart-d?	nDart-d3	nDart-d4	nDart-d5	nDart-d6	nDart-11	3							

【図面の簡単な説明】

[0027]

【図1】易変性pyl-v変異体を示す図である。

【図2】表現型が安定となったpyl-stb (左図) と野生型の"台中65号" (右図) を示す図である。改変white培地に播種後7日目の個体を示す。

ページ:



- 【図3】ply遺伝子マップベースクローニングを示す図である。
- 【図4】実施例1のPCR産物の電気泳動を示す図である。
- 【図 5】 ply変異体の0sClpP遺伝子を示す図である。黒い四角はエキソンを示し、atgは開始コドンを示す。
- 【図6】ply-stb変異体の0sClpP遺伝子の転写開始点周辺領域を示す図である。小文字はタンパク質へ翻訳される領域を示し、下線のatgは開始コドンを示す。最上の矢印は野生型の転写開始点を示し、その他の矢印はply-stb変異体の転写開始点を示す。肩の数字はクローニングした数を示す。
- 【図7】復帰突然変異体の0sClpP遺伝子構造(A)と残されたフットプリント(B)を示す図である。下線のatgは開始コドンを示す。
- 【図8】BLAST法で検索した自立性因子を示す図である。



【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110>	Japan Science and Technology Corporation	
<120>	新規なトランスポゾン遺伝子	
<130>	PS03-1299	
<160>	9	
<170>	PatentIn version 3.1	
<210> <211> <212> <213>	1 607 DNA Oryza sativa	
<400> tagagg	1 gtggc caaacgggcc gggccaaaac gggcggcccg aggcacggcg gaacctgtag	60
ccggca	acggc ccggcacggc ctgctacagt aacgggccgt gccggcacgg cacgagtagc	120
cgtgcc	egtge ttgggeegee ggeegageee gegggeegge acggeacgge	180
tagtaa	agtec geateteate etteegeaag teegtatete ateceteeca aetgaeggee	240
cagcco	egeta geegeeteeg eaagteegtt gageaeeeet eetagetgat ggeeeageee	300
gccago	ccacc teegcaagte egeategeat eecteegege cattteggtt eetgggeeaa	360
ccgtg	ccccg tccacggccc atttttcatt cacgggcccg tactgacacg gcgggccaca	420
cgcat	gccgt gccggcacgg gcacggcccg gccatccacg ggccgtgctt gggccggcgg	480
ctcgg	cacgt gggtcgggac ggcacggccc gtttcatgag ccgtgcctaa cgggccgtgc	540
cgaaa	cgggc cgtgccggac ccgtgcccgt gccgtgccgg gccgggccgc ccgtttggcc	600
acctc	ta	607

<210> 2

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<400> 2 taacgggtgt gtgtctggtg	. 20
<210> 3 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 3 gcaactgaaa cccttacttg aa	22
<210> 4 <211> 20 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 4 gcggttgaag ggctttaagg	20
<210> 5 <211> 20 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 5 catcctccac gggtccacca	20
<210> 6 <211> 3591 <212> DNA <213> Oryza sativa	
<400> 6 tagaggtggc caaatgggcc gggccaaacg ggcggcccga ggcacggccg aacctg	gtage 60
aggcacggcc cggcacggcc tgctacagta acgggccgtg ccggcacggc acgagt	agcc 120



180 240 300 ggcgcggaca gggcggcgg cggtcgaatg ggaaggcgcc acgtggcact aacggctatt 360 tgaccgttca aatttgaaaa taaccgttgg gaggctaaaa aattcataaa aatttcgaaa 420 aaattccaaa aaatctcaaa tttcgcccta taaatagggc atgaacccca gccatttctc 480 ctcatcccac actcctcatc ttgtgctctc aagtgtttta agtgctctct ttgttctcaa 540 gtgtgcattt tttttgattt tgacaaaatt tgctcaaatt ttgtcaaaaa tcaaaattag 600 tttcgtagtt caacagtttg atcgcagagg tttgaagagc tcgcagttgg aaagatgtaa 660 gtaatattca aatttgtgta ttatttgtat tgtgtttgtg aattcaataa atattcgaaa 720 attigtitat gtcggtitaa attitcagaa tggatccgaa cittccatac cagtcgccgt 780 cgttcacctt gggtgatttc gaccccaact acatgtcggg gtttgatggt acctccggat 840 eggeteeaac tecaceatet gtggaggagg taceggttea tacggetgte gttgaggagg 900 taccggttca ggcggagaca gcttcggaag gattttccgg aaccgcgagc ggaagtgttt 960 cgacacacac cggctcgaag agatcgagaa cctccggtgt gtggcaaagc ttcgatgaga 1020 taaaggaaac atgccccgac ggaagggagg tatcgaaagc ccgttgtaga atatgtaggc 1080 aaattttatc tgctcgttct tctggtggta caggtcacct caagcgccat gcggagtcgt 1140 gtgccaagaa gcaaggaata caactccggc agcagcaact tatggtaaac ccagacggta 1200 cggtacacag ttgggagtac gatcccatgg ttgctcggga atctcttgtc cggttaatcg 1260 ccaggcaaga tttacccctg aactttgggg agtcccctgc ttttgaacat tacattcagc 1320 aatctcataa ccctaggttt aaagctgtga gtaggcaaac atcaactaga gatttagaga 1380 atgtttatca caaggaagca actgcactta aggaactgtt tagtacatgt actttctctg 1440 ttagtgttac ttcagatata tggagtagta gagctagaga ggattatctt agcgtagttg 1500 ttcattttgt tgatgatgat tggcaattac aaaagagagt tttagggctt aggttaatag 1560 atgtctcaca tacaggagaa aacatagctg aaagaattag ggaagtaatt aatgaattta 1620 atcttgctga taaaatattt gctgtcaccc tagataatgc atctgctaat tctagggcta

ttgaaatatt gcaaccttta ttttgtgtgt atgctcaatc ttttctactc catcagcgtt 1680 1740 gtgcatgtca tataattaat ttgattgtta agactggcat gaagagggta ggtgaccaca 1800 tegatgetgt tegteaagea ategegtggt taaetgette taaecegegg attgetgeat 1860 ggaagaggtt ttgcaatgcg gccggtgtga aagctcgtaa gtttgccacc gatgcagagc 1920 atcggtggaa tgcaacgtat ttaatgttaa aagttgtttt accttatagt agtttacttt 1980 ctgattttgt tcagtcacgt ggtggcccaa gaaacagtga cgggtcttca gtactgaacg 2040 agcatgtttg ggcaattgtc caaaaatttt accaatttct agaaactttt tatgattgta ctctaacttt gtcacaagtt tattatccaa ctgctaatat aattttgcac aaccttcttg 2100 aaattgctac tttatttaaa gaatacgaaa atgatgacgt tctaactgaa cctgtctttc 2160 acatgaaaca aaaatatttg aaatattgga aaaatatacc tatgttgtat gctcttgctt 2220 2280 ttgttttaga tcctaggtgt aaattaaggg gattgtctgc tattttatca cttgttggag atactatagg tgtagattat agttcttttt atactgaggt tagacgtaaa ttatatgagg 2340 2400 tttttggaag atatgaagta aagtttcagg aagttcgcca gcagagaccc cctcctatcc 2460 ccactacagg taagaagaag atacagtggg gtaggatttg gggtggatcg tcttcaagtt 2520 caatccaagg tggtggcagt tcgtcggcta caagtggaga cgcctcttcg catgttgtgg 2580 ccgaagagtt gtccggttat ttggacagcg acgccatcca ccacgaagca caagatttca 2640 acgtcctcgg gtggtggaat gaccacaaga taacatatcc tgtgctttca aaactagcac 2700 gggatgttt gacggtgccc gtgtcgacgg tgtcctccga atcggccttc agtctatgcg 2760 gccgaatcat cgaagaccgg aggacgactc tgcgcagcga ccacgtcgaa atgctactaa 2820 gcgttaaaga ctgggagctt gctcgacaac atgcccaata cactgcggac aaccaagaat 2880 tggctgccca gttcgagcaa ctctacctgg atccagacca accccagtag aattttgtta gaagtagttc tgacctttga gctgtactct tttctttgtc atggttttct cattttcccc tatgagtttt tacatgacaa agtttttaaa gaggcagcat gtatcattgt atcctgtaat gatataaaca tcaataaagg tcattactat ttttaacaaa ttcttttgca atattttcgc aagtgtggat ttatctttaa attatttcaa aataatgaat cacaatctat atttttaaat

2940

3000

3060

3120

ttttcaacac aacaaaaaaa taccattttt tcttttttt aacattagca aatcattact 3180 3240 ttttaaaaaa acttttattt ccatttttta aataccattt tttcattttt taacattagt 3300 3360 tttcctttgc ttttttttaa aaaaaaaaca ctgtgcacta caggctggcg ggctggcggc 3420 ctgccttcac gggccgccgt gccccgaacg gcccgtgggc cgcgggcgtg ccgtgccggc 3480 acgggcacgg cccggccatc cacgggccgt gcttgggccg gcggctcggc acgtgggccg 3540 geacggeacg gecegtttea teageegtge etaacgggee gtgeegaaac gggeegtgee ggaaccgtgc ccgtgccggg ccgggccgtg ccgcccgttt ggacacctat a 3591

<210> 7

<211> 3843

<212> DNA

<213> Oryza sativa

<400> 7

60 tatacctggc caaatgggcc gtgccaagcc gggccggccc aagcacgacc gcactgtaga 120 aggeccagge ceggeaegge aegeeggeet gtgggeegtg eeggeaegge eegtttaeee 180 240 agagggetgg cacggecegg cacggecege gageaeggea eggeaeggga teggetegge 300 cgcgcacacc gcggcaccgc gcacgtggcg ccaagcggcc gagccgccga gggcagccgc 360 ggggccaggc ggcgggaagc gcgcgtcgct tcgttcgcgc gtggcgcgtg gcaagcggcg 420 tcgcgacgtg tcggcgtgtc gctggggctg gccagctggg aggctgggac gctgcctcac 480 getgggtegg tegeteacte getetegetg cetgtetgee tgtetgeeac tetgeeteeg 540 tgcctcgttg ggagcagccg agacagcgac tcggcgagac cccgtacggc ggccgaacgg ctagtcaaac gacgaatgcg agagtgccac gtgtccccca acggctagtg agctaatcca 600 660 acgaccagaa gtagccgttg gagagcaaaa aaaaaggaaa aaaattcgaa aaaaatatga 720 aatttatttc tataaatagg acacccacca gagcattctg aatcatccat acctcccatt 780 ttgtgctctg ttgtgctctt tcgtgtgata gatcgatttt ttgatttaga caaaatttga 840 caaaattttg tgtaaaatca aaaatagttt gtgactaaaa atagtgcata caagaggtgt

900 aaagccaagc aaaggtggta agaaagaagt acgtcatata ttcagtttta tgtattattt 960 tattttatgt tatgcgaata aatattctga aatttgttta tgttgtttta aattttcaga 1020 atggatgaat cgaacattcc atcgttcacg ttaggtgatt tcgaccctaa ctacgtgtcg 1080 aggicatice caactggtga gtatgatgee accggategg etecaacace accagitatg 1140 gagccaccgg cgggttcaga agcatccggc actatgagtg ggagtgcatc gacgaacacc 1200 ggctcaaaga gatcaagaac ttccggtgtt tggcaacatt tcgatgaggt ggccatgaca 1260 ggccctgatg gaaggcaggt aacattcgcg agatgtagaa tatgcaaaaa taagttatct 1320 gcaaaatcat ctggtggaac aggacatttg aagcggcatg ccgaggcttg tgcaaagaag 1380 caaggaatcc aactacgaca gcaacaacta ctactaaatc ctgatggtac ggtacgtacg 1440 tgggagtatg atcctatggt agctcgagaa aatcttgccc gtttaattgc tagacaagat 1500 ttaccettga actttggtga gagteetgea tttgaaaatt acataaaaaa tteteataat 1560 cctaggtttc aagctgttag tagacaaacc acaacccgtg atttgaaaaa tgtctatgac 1620 aaaggttatg aatcactgaa ggaattattt agtacatgca ccttttctgt cagtgtcacc 1680 tcagacatat ggagtagtag ggctaaagag gattacctta gtgtagttgt acatttcatt 1740 gatgatgatt ggcaaatgca aaaaagagtt cttggcttaa ggttaattga tgtttcacat 1800 actggtgaaa atatagcaga gagaattcga gaggttattg atgagtttaa ccttgcagat 1860 aaaatttttg ctgtaacaat ggataatgca tctgcaaatt ctagggccat ggaaattcta 1920 caaccattat tttgtattta tgctcaatca tttcttctgc atcagcgttg tgcatgccat 1980 atcattaatc taattgttaa atgtgggttt aagagagtta atgtacacat cgacgctgtt 2040 cgtcaagcaa tcacgtggtt aactgcttca aacccacgga ttgcacagtg gaaaaggtat 2100 tgttgtgcat cgggtgagcc cccacgtaag tttttaaccg atgcagacca tcggtggaat 2160 gccacttatt ttatgttaaa ggttgtatta ccttacaagg atttacttac tgttttcctt 2220 caaacacgta atggcccaaa aaacagtgat ggccagccaa tactgactga tcatacctgg 2280 cacattette aaagettcaa tcaatttett gaaacettte atgactetac tettetetta 2340 tctcaagtat attatccaac agctaattta attttgcata atattcttga aattgccact

ttgttgaaag agtatgaaaa tgatgacctt ttaatgcccg ttgtctttaa tatgaaacaa 2	2400
aaatatctta aatattggaa agacatcccc atgttgtatt cttttgcatt tattcttgat 2	2460
cctaggggaa aattacgggg attcctcaat attctttcac ttattggaga tattattaat 2	2520
gttgattatt ctacctatta tgctgatgtc aaaactaaat tctatgaggt atttcgaaag 2	2580
tatgaattaa agtttcaggg agatcgcttg caaagacccc cacctgtacc tgcagcaggt	2640
aagaaaaaat tacagtggag cagaatttgg ggcagttcat cttctagcca tggtggtggt	2700
accagttcat cagcagcaag tggggacgct agatcgcatg gtcctgccga agagttgtcc	2760
aactatttgg atagcgatgc catcaggcat gaaacgtcag acttcaacgt actcgggtgg	2820
tggaatgatc ataagatgtc atatcctgtg ctatcaaaac tagcacggga tgtgttgacg	2880
gtgcccgtat cttcggtatc ctccgaatca gccttcagtc tatgcggaag aattatcgag	2940
gataggagaa caagtctgag cagcgatcat gtggaaatac tattaagcgt caaagactgg	3000
gaacttgctg cagaacatgc ccaatacact gctgacaacc aagaattggc cgcacagttc	3060
gaaaaccttt atttagatga cgaacaatta gggtagctag tttatatttt ttaagtattg	3120
acctgttggc tgtactcttt tctttgtcat ggttttctca aatatgagtt tttacatgat	3180
aaagttttta acgaggcagc atgtatcatg taaacatcaa taaaggtcat tactcttttt	3240
tcctcatatt tttctaatat ttttctaagt ctaattattt ttctattttt ctccaactat	3300
ccattaattt tctcttagct tagttaactt tcagaccttt ctctttgatt tgaattgttc	3360
cactgacaga gtgacagcct gacagtgaca gactgacagg caatagacac acggtgacgg	3420
acagcgtcag caagtccagc gccaccgccg ccacgtgtcg cccttcggcc ggccggtcgc	3480
gcggccccgg ccgctcgctc ccgcgtgccg cgttgaaaat ttcagccgcg ccgcgcgcgc	3540
gccttgtcgg cgactcggcg ttgtcgccta gccgagtcct tcggccgtgc cgcgtgcccg	3600
cgtccttggc tgcagtccgt cgtgccaacg ggctgaccac ggcccatggg ccattgacgt	3660
gcccgtgccg gcacggcacg gcacgacgtt ccctcgggcc gtgcttgggc cggggagtag	3720
gcacgtgggc cggcacggca cggcccgcta taggagtcgt gcctaacggg ccgtgcccta	3780
gcgggccgtg ccgccggcgt gcccgtgccg tgctgggccg ggccgcccgt ttggccaggt	3840

3843 ata

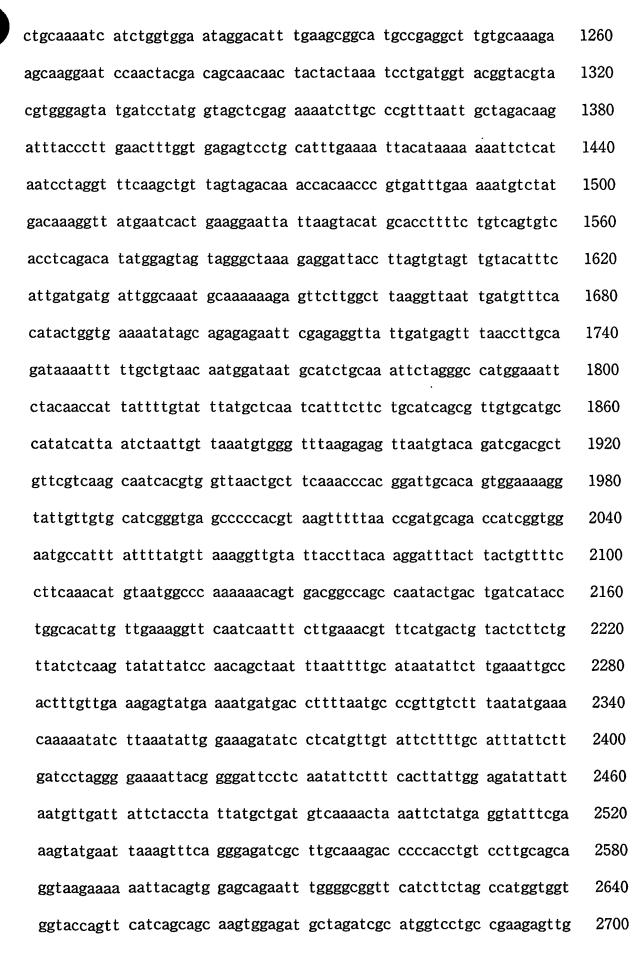
<210> 8

<211> 3732

<212> DNA

<213> Oryza sativa

<400> 8	60
tatacetgge caaatgggee gtgecaagee gggeeggeee aageaegaee geaetgtaga	60
aggcccaggc ctggcacagc acgccggcct gtgggccgtg ccggcacggc ccgtttaccc	120
gtgccgtgtc tgggccgacg ccatagcccg tgggccagca cggcacggca	180
agagggctgg cacggcatgg cacggcccgc gagcacggca cggcacggga gcggcctagg	240
gtaggcacac cgcacacgtg gcgccaagcg gccgagccgc cgagggcagc cgcggggcca	300
ggcggcggga agcgcgcgtc gctgcgttcg cgcgtggcgc gtggcaagcg gcgtcgcgac	360
gtgtcgctag ggctgggagg ctgggtcgct ctcgctctga ctgcctccgt cactccgtgc	420
ctcgttggga gcagccgaga cggcgacagg cgactcagcg agaccccata cggcggccga	480
acagctagtc aaacgacgaa tgcgagagtg ccacgtgtcc ccaacggcta gtgagctaat	540
ccaacgaccg ctgtttttga gaagtagccg ttggagagca aaaaaaatgga aaaaaattcg	600
aaaaaaatat gaaatttatt tetataaata ggacacccac eggageatte tgaateatet	660
atacctccca ttttgtgctc tgttgtgctc tttcgtgtga tagatcgatt ttttgattta	720
gacaaaattt tgtctaaaat caaaaatagt ttgtgactaa aaatagtgca tacaagaggt	780
gtaaagccaa gcaaaggtgg taagaaagaa gtacgtcata tattcagttt tatgtattat	840
tttattttat gttatgcgaa taaatattct gaaatttgtt tatgttgttt taaattttca	900
gaatggacga atcgaacatt ccatcgttca cgttaggtga tttcgaccct aactacgtgt	960
cgaggtcatt cccaactggt gagtatgatg ccaccggatc ggctccaaca ccaccagtta	1020
tggagccacc agcgggttca gaagcatccg gcgctatgag tgggagtgca tcgacgaaca	1080
ccggctcaaa gagatcaaga acttccggtg tttggcaaca tttcgatgag gtggccgtga	1140
caggccctga tggaaggcag gtaacattcg cgagatgtag aatatgcaaa aataagttat	1200



tccaactatt tggatagcga tgccatcagg catgaaacgt cagacttcaa cgtactcggg 2760 2820 tggtggaatg atcataagat gtcatatcct gtgctatcaa aactagcacg ggatgtgttg 2880 acggtgcccg tatcttcggt atcctccgaa tcagccttca gtctatgcgg aagaattatc 2940 gaggatagga gaacaagtct gagcagcgat catgtggaaa tactattaag cgtcaaagac tgggaacttg ctgcagaaca tgcccaatac actgctgaca accaagaatt ggccgcacag 3000 3060 ttcgaaaacc tttatttaga tgacgaacaa ttagggtagc tagtttatat tttttaagta 3120 ttgacctgtt ggctgtactc ttttctttgt catggttttc tcaaatatga gtttttacat gacaaagttt ttaacgaggc agcatgtatc atgtaaacat caataaaggt cattactctt 3180 ttttccccat atttttctaa tatttttcta agtctaatta tttttctatt tttctccaac 3240 tatccattaa ttttctctta gcttagttaa ctttcggacc tttctctttg atttgaattg 3300 3360 ttccactgac agagtgacag gcgatagaca cacggacaga ggcaagtcac tgagtcagca 3420 ttcagcaagt ccagcgccac gtgtcgccct tcggccggcc ggtcccgcgg ccccggccgc 3480 tegeteege gtgeegegte caaattttea teegegeget egeettgteg gegttgtege 3540 cttgccagct tgcctgcagt cgatcgtgcc aacgggccga ccacgaccca tgggccattg acgtgcccgt gcaggcacgg cacggcacga cgttccctcg ggccgtgctt gggccgggga 3600 3660 gtaggcacgt gggccggcac ggcacggccc gctacaggag tcgtgcctaa cgggccgtgc 3720 cctageggge egtgeegetg gegtgeegt geegtgetgg geegggeegg geegeeegtt 3732 tggccaggta ta

<210> 9

<211> 1186

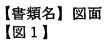
<212> DNA

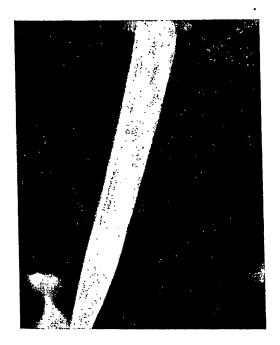
<213> Oryza sativa

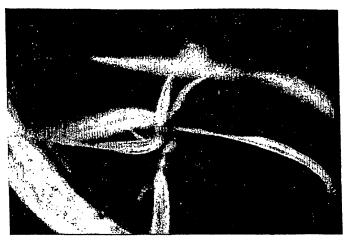
<400> 9

acactattct ctcttcttct taccaccctc tcccggataa gaggcgcaac caaagccccc 60
accctcgccc aaaaccccca cgagccgcg ccatggcgac caccaccacc acccctcct 120
cctctctcac cgcccctctc ctccgcccga gctcgaacgc gaaccccgcc ccgagatctc 180
tgccgctcct caggagccgg aggtgcgctc gggccgtggc gaccgccgcc gccgccgctg 240

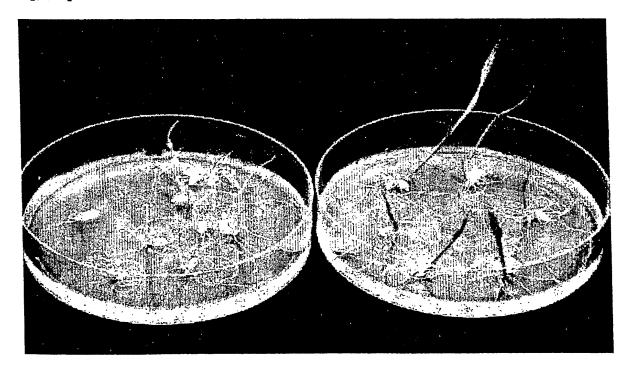
gccacggggc cgctcatcag aggagcggga tttggtcgat cagggatgat ttggtggtgc	300
cgaggtcgcc ctacttccct gtggagtatg cgtcggggca ggaacgcggg ccatcgccca	360
tggtgatgga gcggttccag agcgtcgtca gccagctctt ccagcacagg attatccggt	420
gtggtggacc cgtggaggat gatatggcga acatcatcgt tgcccagctg ctatatctcg	480
atgccatcga tcctaacaag gatatcatta tgtatgtgaa ttctcctgga ggatcagtga	540
cagctgggat ggccatattc gacacgatga agcatatcag acctgatgtt tccacagttt	600
gtattggact tgctgcaagt atgggagctt ttctgcttag tgctgggaca aaagggaagc	660
gatacagett acctaactea agaataatga teeateaace teteggagga geecaaggae	720
aagagactga tcttgagatc caggctaatg agatgctgca tcacaaggct aacctgaatg	780
gatacctage ataccacact gggcagcccc tagataagat caacgtagat actgaccgtg	840
attacttcat gagcgcgaag gaggcaaagg agtatggtct aattgatgga gttatcatga	900
atccccttaa agcccttcaa ccgcttcctg cttctagtta gccatggagt gctcaatctc	960
cacggagcat tttttggtta tcttttagaa ctgttattgc atccactgtt tttattagct	1020
tggcaagata gttttgcgat tccacaagca accacatcct gaggcttcaa agtttgtaca	1080
atacagatgt actactagga ggatatcttc tgcgatgaat attgcaactt atttgatgta	1140
ctattaggag gatatcttct gcgatgaata ttgcaactta tttgat	1186

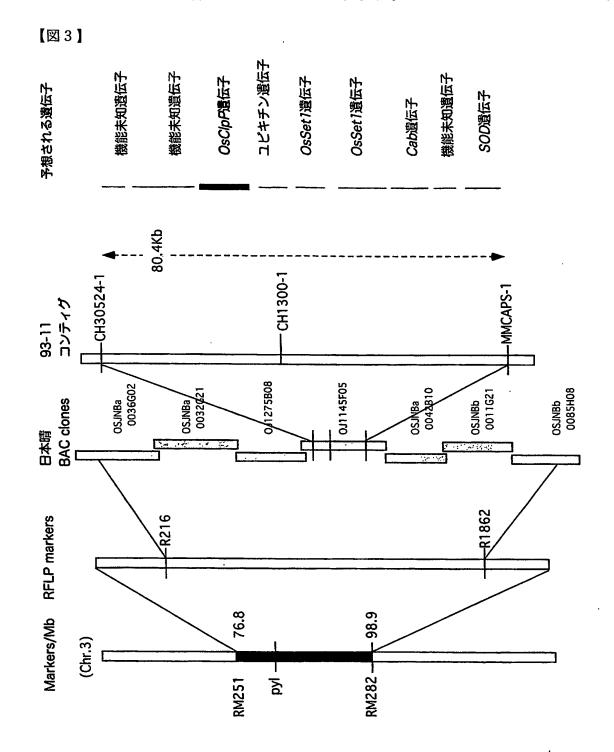




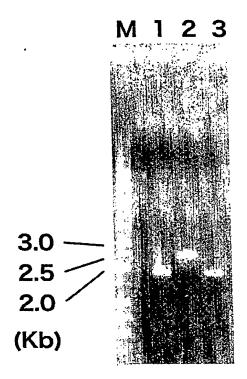


【図2】



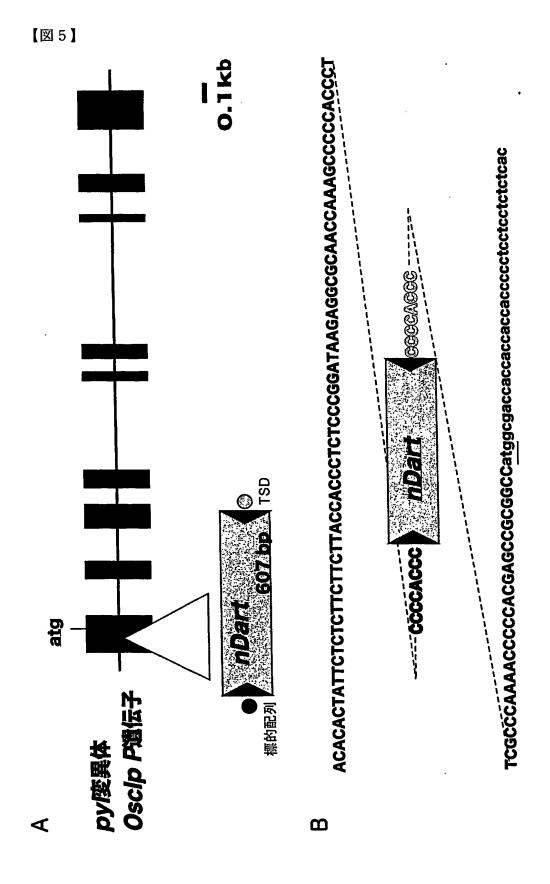


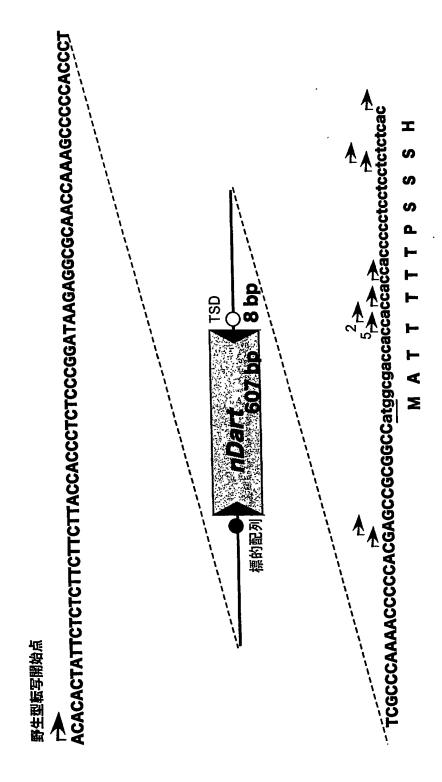
【図4】



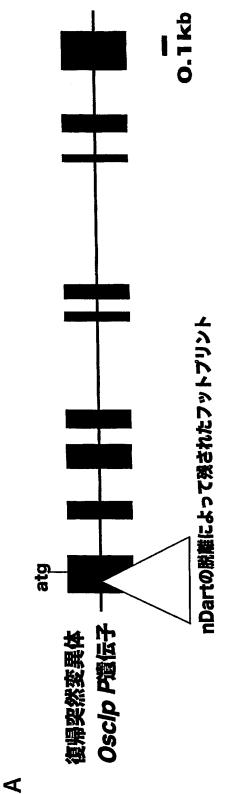
M. DNA Marker

- 1. 台中65号
- 2. pyl-stb
- 3. カサラス





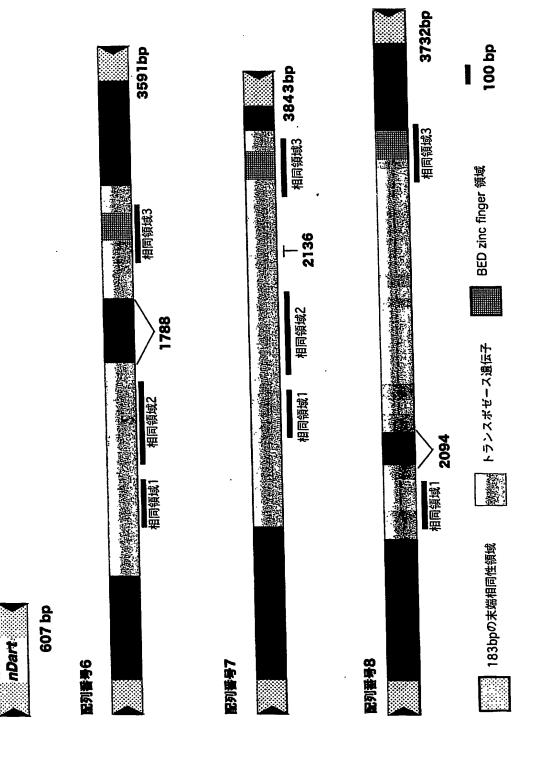


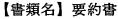


ACACACTATTCTCTCTTCTTTACCACCCTCTCCCGGATAAGAGGCGCAACCAAAGCCCCCAACC

 $\mathbf{\omega}$

1. GGCCCACCC 47個体 2. C 2個体 配列番号





【要約】

【課題】 易変性で葉緑素の蓄積が低下するpyl変異体の原因遺伝子を同定し、この変異にAc/Ds型に分類される新規トランスポゾンが関与することを見いだした。

【解決手段】 イネにおいて通常の栽培条件下で初めて転移活性をもつAc/Ds型トランスポゾンnDart(配列番号1)を確認した。更に、このAc/Ds型トランスポゾンを解析することにより、その自律性因子Dartを見出した。

【選択図】 なし

特願2003-270879

ページ: 1/E

認定・付加情報

特許出願の番号特願2003-270879受付番号50301114670

書類名 特許願

担当官 第三担当上席 0092

作成日 平成15年 7月 7日

<認定情報・付加情報>

【提出日】 平成15年 7月 4日

ページ: 1/E

【書類名】

出願人名義変更届(一般承継)

【提出日】 【あて先】 平成15年10月31日 特許庁長官 殿

【事件の表示】 【出願番号】 村計八文目 殿

特願2003-270879

【承継人】

【識別番号】

503360115

【住所又は居所】 【氏名又は名称】 埼玉県川口市本町四丁目1番8号 独立行政法人科学技術振興機構

【代表者】

沖村 憲樹

【連絡先】

〒102-8666 東京都千代田区四番町5-3 独立行政法 人科学技術振興機構 知的財産戦略室 佐々木吉正 TEL 0 3-5214-8486 FAX 03-5214-8417

【提出物件の目録】

【物件名】

【援用の表示】

権利の承継を証明する書面 1

平成15年10月31日付提出の特第許3469156号にかかる一般承継による移転登録申請書に添付のものを援用する。

【物件名】

【援用の表示】

登記簿謄本 1 平成15年10月31日付提出の特第許3469156号にかか

る一般承継による移転登録申請書に添付のものを援用する。

特願2003-270879

出願人履歴情報

識別番号

[396020800]

1. 変更年月日

1998年 2月24日

[変更理由]

名称変更

住 所

埼玉県川口市本町4丁目1番8号

氏 名

科学技術振興事業団



特願2003-270879

出願人履歴情報

識別番号

[503360115]

1. 変更年月日 [変更理由]

2003年10月 1日

新規登録

住 所 名

埼玉県川口市本町4丁目1番8号 独立行政法人 科学技術振興機構

This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

BLACK BORDERS

IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES

FADED TEXT OR DRAWING

BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING

SKEWED/SLANTED IMAGES

COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS

GRAY SCALE DOCUMENTS

LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT

REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

☐ OTHER:

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.